

Cheatography

Parcial 4 - biomol - traduccion y proteinas Cheat Sheet

by ilpatino2003 via cheatography.com/185342/cs/38731/

Translation - things to know before going in	Carga de los AA	Features that stimulate translation	Features that stimulate translation (cont)				
<p>Purpose: interpret gene info in mARN (codons) to generate proteins.</p> <p>Characteristics: (1) highly conserved process across organisms; (2) energetically costly (bacteria: takes up 80% of the cells energy and 50% of it's dry weight.); (3) synthesis of a single protein requires the coordinated action of over a 100 proteins and RNAs.</p> <p>Challenges in translation: (1) it is harder to transfer genetic info during translation vs transcription; (2) aminoacids have little to no affinity for for nitrogen bases (no direct contact with the mRNA strand), especially if the amino acids are aromatic</p> <p>Crick's Theory: There is a RNA molecule pasting AA (amino acids). Paul C. Zamecnik and Mahlon B. Hoagland proved that there is a certain type of ARN molecule to AA attach to before being transferred to the polypeptide chain (tARN)</p>	<ul style="list-style-type: none">- se cargan mediante las aminoacil-ARNt sintetasas y la hidrolisis de dos ATP (uno remueve el PPi y el segundo hidroliza el PPi a dos acidos fosforicos inorganicos con la ayuda de una pirofosfataza)- lo anterior permite que el AA se una a su ARNt especifico- AA al cargarse al ARNt libera un AMP + 2Pi y a la enzima- complejo aminoacil-ARNt formado	<p>Prokaryotes: (1) Shine-Dalgarno sequence (RBS); (2) Kozak sequence</p> <p>Eukaryotes: (1) 5'-AGGAGG-3'; (2) 5'-ANNAUGG-3'; (3) poly-A tail</p>	<p>Eukaryotes: (1) connected to the 5' end of mARN through 3 phosphate groups. Unusual 5' to 5' linkage; (2) 5'-ANNAUGG-3': its presence makes translation more effective although some mARNs lack it; (3) added enzymatically. enhances level of translation and prevents the loss of information.</p>				
<p>Binding of the ribosome</p> <table><tr><td>Prokaryotes:</td><td>Eukaryotes:</td></tr><tr><td>Shine-Dalgarno sequence (RBS)</td><td>5' cap</td></tr></table> <p>Because <i>prokaryotes</i> have mARN that codes for many proteins, it creates a phenomenon called poliribosome</p>			Prokaryotes:	Eukaryotes:	Shine-Dalgarno sequence (RBS)	5' cap	<p>Iniciacion - traduccion</p> <p>(1) union de la subunidad menor del ribosoma al ARNm a traves del ARNr con ayuda de factores de iniciacion</p>
Prokaryotes:	Eukaryotes:						
Shine-Dalgarno sequence (RBS)	5' cap						



By ilpatino2003

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 1 of 9.

Sponsored by **Readable.com**

Measure your website readability!

<https://readable.com>

Iniciacion - traduccion (cont)

(2) el ARNt iniciador con una metionina o formil-metionina entra al sitio P (el unico en poder hacerlo) y reconoce al codon AUG e inicia la traduccion. el reconocimiento del sitio P esta mediado por el IF-3 o eIF-4

(3) el IF-2 se asocia con el GTP y estabiliza al ARNt con el complejo ribosomal si el codon y anticodon es complementario, hidrolizando al GTP union del ribosoma al ARNm

- **bacterias:** secuencia SHine-Dalgarno (RBS) en el ARNm
- **eucariotas:** secuencia Kozak en ARNm

Nota:

- + formil-metionina y IF-3 - pro
- + metionina y eIF-4 - eu
- + la fase esta se termina cuando se arma el complejo ribosoma y la union anticodon-codon

Enlongacion

Formacion de enlaces peptidicos

peptidicos: el radical carboxilo (-COOH) del AA iniciador se une con el radical amino (NH₂) del siguiente AA

Enlongacion (cont)

Catalizador de enlaces peptidicos: enzima peptidil-transferasa

(1) **decodificacion del aminoacil-ARNt en el sitio A**

(2) **Transferencia del AA al peptidil-ARNt**

(3) **desplazamiento del ribosoma**

3 en 1: Se vuelve a hidrolizar un GTP originado en la proteina EF-G o EF-2 que permite la traslocacion del ribosoma hacia el extremo 3' del ARNm el cual se da cuando el sitio P se encuentra ocupado por un ARNt sin AA lo cual provoca este desplazamiento y su colocacion en el sitio E.

Notas

- + EF-G - bacterias
- + EF-2 - eucariotas
- + La enlongacion es un proceso ciclico en donde un ARNt sin AA se reemplaza por uno que este cargado y corresponda al siguiente codon del ARNm.

Terminacion

- Se da cuando se lee en el sitio A uno o mas tripletes sin sentido en el ARNm que no codifican para AA.

Terminacion (cont)

- los factores de liberacion reconocen al codon de terminacion y necesitan de una molecula de GTP para liberar a la cadena polipeptidica del complejo traduccional (ARNm + ribosoma) y se disocie la union entre ARNm y ARNr

{a} **Factores clase I:** especificos de codon (RFR-1 y 2 para pro, y eRF1 para eu)

{b} **Factores clase II:** no especificos que unen un nucleotido G (RF-3 en pro, eRF-3 en eu)

(1) **los Rf reconocen al codon de terminacion, el centro de transferencia del enlace pep dentro del ribosoma llamado dominio V localizado en la subunidad mayor del ribosoma, lo que permite la liberacion de la cadena peptidica del ARNt**

(2) el complejo traduccional se disocia por el factor de reciclaje del ribosoma que permite que el ribosoma, ARNt y factores de liberacion se vuelvan a usar en otra sintesis proteica. tambien el ARNm queda libre y se puede leer de nuevo.

Terminacion (cont)

- **eucariotas:** factor de liberacion (factor de reciclaje del ribosoma)

- **bacterias:** RRF por sus siglas en ingles (factor de reciclaje del ribosoma)

Prenilacion (terpenos)- modificaciones con lipids

isoprenoides: geranilo (10C) y farnesil (15C) de la via del colesterol del met. se unen a residuos de C en el extremo C-terminal con un enlace tioeter (C-S-C)

secuencia concenso comun en el extremo C-terminal: CAAX (cisteina-aa-aa-aa C-terminal).

- para que la prenilacion ocurra se retiran los tres AA (AAX), se une el grupo prenilado y el carboxilato de la C se metila con SAM como donante.

grupos prenilados: geranilo (10C), farnesil (15C) y geranylgeranilo (20C)

- ellos se unen a proteinas receptoras unicamente

- proteinas de la respuesta inmune (motilidad, activacion y proliferacion de leucocitos)



By ilpatino2003

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 2 of 9.

Sponsored by [Readable.com](#)

Measure your website readability!

<https://readable.com>

Prenilacion (terpenos)- modificaciones con lipids (cont)

- **farnesilo**: proteinas ligadoras e hidrolizantes de GTP (RAS) y proteinas G (se unen e hidrolizan GTP en cascadas de señalizacion intracel.) base de las proteinas antiinflamatorias de farmacos INH de colesterol, disminuyen la sintesis de farnesil-piroP y geranyl piroP, reduciendo episodios inflamatorios

INH de sintesis proteica

- las proteinas que INH son antibioticos en bacterias

Agrupaciones

(a) INH del reconocimiento de un aminoacil-ARNt en el sitio A del ribosoma: **tetraciclinas**

(b) Induccion de presencia de errores en la lectura del ARNm: **aminoglucosidos (estreptomicina)**

(c) INH de la formacion del enlace peptidico: **puromicina**

(d) INH de la traslocacion del peptidil-ARNt desde el sitio A al P: **Macrolidos y lincosamidas**

(e) Bloqueo de factores de elongacion: **cloranfenicol**

Terms - glossary

Polycistronic: more than one ORF in the mARN

Translational coupling: can cause mutations when upstream bases are not translated before downstream ones

ORFs - Open Reading Frames

It is a string of composed, contiguous, non-overlapping codons

every mARN has them

cada ORF specifies an specific protein and ends inside of the mARN (the mARN can have more than one ORF)

va de codon de inicio hasta codon de terminacion y hay muchas maneras en las que puede acabar el reading frame dependiendo de donde este ubicado el codon de terminación

Functions of the start codon: (1) encorporates the first AA into the polypeptide chain; (2) it defines location of all the other codons in the sequence

ORFs - Open Reading Frames (cont)

Eucariots Any stretch of always start with AUG, but may start with that or GUG/UUG.

mARN can be read in different ways due to the length of the codons and because they are not overlapping each other

tráfico o destino de las proteinas - topogenesis (cont)

- las peptido señales indican si la proteina es de membrana, lisosomal, de secrecion, etc. y las que no tienen ninguna señal se quedan en el citosol

- la peptido señal se sintetiza durante la sintesis de proteinas

- las peptido señales son secuencias cortas de AA normalmente ubicados en el extremo N-terminal que marca a la proteina recien sintetizada

- la peptido señal tiene tres secciones: uno o mas AA en el extremo N-termina, seis o siete AA hidrofobicos en la region central y la parte C-terminal hidrofila reconocida y cortada por una peptidasa del lider.

tráfico o destino de las proteinas - topogenesis

- ruta que siguen las proteinas en la celula hasta alcanzar su localizacion intra o extracelular donde ejercen su funcion.

- la topogenesis se realiza en el citosol donde participan varios organelos (RER, AG, Mt, peroxisomas y lisosomas)

- todas las proteinas que van a algun organelo o al mismo citosol van al citoplasma para recibir su secuencia señal de donde deben dirigirse



tráfico o destino de las proteínas

- topogenesis (cont)

Mecanismo de acción: (1) la síntesis de proteínas de secreción inicia en ribosomas citosólicos. Su secuencia señal sale del ribosoma y se une inmediatamente a la pélvica de reconocimiento señal (SRP) que se encuentra en el RER e interrumpe momentáneamente la síntesis proteica, disociando al ribosoma y la síntesis se reinicia. Este proceso requiere de GTP.

(2) La SRP es una ribonucleoproteína formada por seis polipeptidos y un scARN.

(3) La proteína TRAM (traslocación a través de la membrana) se une a la péptida señal y junto a las Sec (A, Y y E) forman el complejo de traslocación que lleva a la proteína adentro del RER.

(4) La péptida señal es eliminada por escisión proteolítica (peptidasa).

(5) Se disocia el ribosoma de la membrana y se renueva el ciclo

tráfico o destino de las proteínas

- topogenesis (cont)

- algunas proteínas pueden atravesar la membrana del RER y mientras eso pasa se utilizan una o más proteínas para mantenerla desnaturalizada (parcial o totalmente) mientras pasa

Traficó intracelular: las proteínas de secreción se destacan más aquí y ocurre a través de la membrana del RE y el AG.

Acetilación

- N-terminal normalmente
- metionina (indicador) es hidroxilada y un grupo acetilo se agrega al nuevo AA N-terminal
- ocurre en 50% de las proteínas eucariotas

- resistente a su degradación
- acetilación reversible de la histona H4, lo cual regula la condensación de la cromatina

Donador: Acetyl-CoA y miristoil-CoA

- grupo miristoil de 14 C en N-terminal lo cual permite la asociación de la proteína modificada con las membranas

Acetilación (cont)

- subunidad catalítica de la proteíncinasa dependiente del cAMP (PKA) miristoilado

Modificaciones post-traduc. - razones

DONDE OCCURREN: La mayoría ocurre en la N-terminal de la proteína

{1} **estabilidad:** las protege de la degradación y desnaturalización

{2} **actividad enzimática:** activa o desactiva enzimas debido a cambios en la estructura tridimensional e interacción con otros componentes celulares

{3} **localización subcelular o topogenesis:** les dice a las proteínas si ir al núcleo o RER, por ejemplo

{4} **interacciones proteína-proteína:** afecta interacciones entre proteínas

{5} **activación biológica:** unión a sustratos o regulación de las vías de señalización intracelular

Carboxilación

Carboxilación

- se añade un CH₂ a la cadena lateral de un AA del D (beta-carboxiaspartato) o del E (gamma-carboxiglutamato)

- es esencial para la trombina como factor de coagulación por su acción quelante hacia el Ca²⁺.

- la vitamina K es cofactor de la carboxilación del E, sin él se genera el síndrome hemorrágico.

Metilación

- ocurre en N (permanente en mamíferos) y O (reversible)

Donador: S-adenosilmetionina (SAM)

- estabilidad

Metilaciones comunes en N **Metilaciones comunes en O**

- epsilon-amina de lisina	- grupos R de E y D, formando esteroides
- anillo imidásolico de la histidina	- grupos R-tiolas de la C en proteínas



By **ilpatino2003**

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 4 of 9.

Sponsored by **Readable.com**

Measure your website readability!

<https://readable.com>

Metilacion (cont) <ul style="list-style-type: none">- grupo guanino de la R - metilacion de la H4 en histonas para la estructura de la cromatina y actividad transcripcional; K-20 de las H4 en miocitos (monometil y dimetil-K)- grupos R de E y D - metilacion de las H4 en el citocromo C (monometil y dimetil-K)	Acilacion - modificaciones con lipids (cont) <ul style="list-style-type: none">- ocurre en S y T, formando un enlace ester con el grupo -OH- ocurre en C formando un enlace tioster con el SH	Hipotesis de bamboleo (cont) <ul style="list-style-type: none">(1) la segunda y tercera base del anticodon se unen a la primera y segunda del codon mediante puentes de hidrogeno lo cual genera la especificidad de la interaccion codon/anticodon(2) el bamboleo o fluctuacion se da cuando la primera base del anticodon se orienta o gira de maneras ligeramente distintas notas <ul style="list-style-type: none">- creada por Watson y Crick- ocurre entre la tercera base del codon y la primera del codon- las reglas surgen de la teoria de que el primer nucleotido del anticodon puede complementarse con mas de un nucleotido en la tercera posicion del codon (ej, U se une a A o G)- si posee un ARNt una inosina en la posicion 3 puede reconocer codones que terminan con C, U o A- una G en la posicion 3 se une a codones que terminen con U o A	Translation Machinery <ul style="list-style-type: none">1) mARN: template for translation2) tARN: provides physical interface between mARN and AA3) aminoacil sintetasa: montan a los AA a tARN especificos que reconocen a su AA montado encima4) ribosome: (a) compuesto por mARN y proteina; (b) multimeric-galardon machinery; (c) coordina el reconocimiento correcto de los codones de mARN hecho por cada ARNt; (d) cataliza la formacion de enlaces peptidicos entre la cadena peptidica creciente y el AA añadido en la secuencia
Acilacion - modificaciones con lipids <ul style="list-style-type: none">- proteinas citosolicas insolubles sintetizadas en ribosomas libres- afecta cadenas laterales y/o extremos del polipeptido- aumento de hidrofobia- proporciona punto de anclaje de la proteina	proteinas inactivas: proproteinas proteinas activas/segmentos extraidos: propeptidos	Hipotesis de bamboleo reglas	mARN <ul style="list-style-type: none">- contiene el orden especifico de cada AA en la cadena polipeptidica Notas <ul style="list-style-type: none">- lleva info gen del nucleo a los ribosomas del citoplasma para la sintesis proteica- esta estructurado por tripletes conformados por bases ribonucleicas



By ilpatino2003

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 5 of 9.

Sponsored by [Readable.com](#)

Measure your website readability!

<https://readable.com>

tARN	Aminoacil transferasa (cont)	Aminoacil transferasa (cont)	Ribosome (cont)				
<ul style="list-style-type: none"> - There is a different type for each AA as one type recognizes one AA - 75 and 95 ribonucleotides in length - ends with 5'-CCA-3' in the acceptor arm for an AA to join - Presence of odd nitrogen bases (pseudouridine, dehydrouridine, etc) - Variable loop is 3-21 nucleotides in length - U loop: pseudouridine - D loop: dihidouridine - Anticodon region: recognizes an mARN's codon sequence by base pairing (3'-purine; 5'-uracil) 	<ul style="list-style-type: none"> - La especificidad del tARN al escoger aminoacil transferasas viene de dos lugares: el brazo aceptor (base discriminadora) y el bucle del anticodon. - Tipicamente ocurren errores de carga de AA de 1 en 1000 - es facil enter diferencias entre el triptofano y cisteina, la fenilalanina y tirosina, - estas enzimas tienen una envaginación que las ayuda a proofread como las ADN pol y las usan para leer el producto de la adenillilacion llevando a cabo una hidrolisis del AA equivocado (rechazado) o tamb se rechaza cuando no cabe el AMP-AA y tiene un error rate de 0.01% 	<ul style="list-style-type: none"> - Estas enzimas estan encargadas de cargar a los tARN con sus respectivos AA. 	<p>18S + 16S (1540 bn) + (1900bn) + S1, S2, S3 (21 33 S1, S2, de ellas) = S3 = subunidad menor (30S) menor (40S)</p> <p>60S + 40S = 50S + 30S = 80S 70S</p>				
Aminoacil transferasa <ul style="list-style-type: none"> - es una enzima encargada de montar AA a los ARNt - tARN isoaceptantes reconocen mas de un tipo de aminoacil transferasa. - La mayoria de los organismos tienen mas de 20 aminoacil transferasas, pero no siempre. NOTA: algunas bacterias no tienen la sintetasa para cargar la glutamina y usan otro tipo de aminoacil sintetasa para hacerlo (Glu y Gln) 	<p>Clases de sintetasas: (1) Enzimas clase I - unen al AA al 2'-OH del tARN y son generalmente monomericos. (2) Enzimas clase II - unen al AA al extremo 3'-OH del tARN y suelen ser dimericos o tetramericos. (3) Ambos: una vez liberado el AA equilibra rápidamente la union en el 3'-OH y 2'-OH</p>	<p>Eucariotas Procariotas</p> <table> <tr> <td>28S (4800bn) + 5.8 (160bn) + 5 (120bn) + 50 L1, L2, L3 =</td> <td>23S (2900bn) y 5s (120bn) + L1, L2, L3 (31 de ellas) =</td> </tr> <tr> <td>L1, L2, L3 = subunidad mayor (60S)</td> <td>subunidad mayor (50S)</td> </tr> </table>	28S (4800bn) + 5.8 (160bn) + 5 (120bn) + 50 L1, L2, L3 =	23S (2900bn) y 5s (120bn) + L1, L2, L3 (31 de ellas) =	L1, L2, L3 = subunidad mayor (60S)	subunidad mayor (50S)	<p>Acetilacion</p> <ul style="list-style-type: none"> - N-terminal normalmente metionina (indicador) es hidroxilada y un grupo acetilo se agrega al nuevo AA N-terminal - ocurre en 50% de las proteinas eucariotas - resistente a su degradacion - acetilacion reversible de la histona H4, lo cual regula la condensacion de la cromatina <p>Donador Acetyl-CoA y miristoil-CoA</p> <ul style="list-style-type: none"> - grupo miristoil de 14 C en N-terminal lo cual permite la asociacion de la proteina modificada con las membranas - subunidad catalitica de la proteincinasa dependiente del cAMP (PKA) miristoilado
28S (4800bn) + 5.8 (160bn) + 5 (120bn) + 50 L1, L2, L3 =	23S (2900bn) y 5s (120bn) + L1, L2, L3 (31 de ellas) =						
L1, L2, L3 = subunidad mayor (60S)	subunidad mayor (50S)						



Cheatography

Parcial 4 - biomol - traduccion y proteinas Cheat Sheet
by ilpatino2003 via cheatography.com/185342/cs/38731/

dowload pdf and paste your favorite images of translation, because this things doesn't let me add them. You can add them in your ipad or phone in the files app, idk about samsung users, i'm sorry. this website doesnt let me add images anywhere, i've already tried countless of times.

Molecule's POV - Procariontas

Proceso - traducion

iniciacion:

- ribosomas: encargados de la sintesis proteica
- ARNt iniciador: sitio P (peptidil-ARNt)

- factores de ini.: responsables de la formacion del complejo traduccional, colocacion del ARNm en el ribosoma y el ARNt iniciador en el sitio P

enlongacion:

- EF-Tu se une al aminoacil-ARNt y lo lleva al sitio A
- EF-G: desplazamiento del ribosoma a lo largo del ARNm



By **ilpatino2003**

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 7 of 9.

Sponsored by **Readable.com**

Measure your website readability!

<https://readable.com>

Cheatography

Parcial 4 - biomol - traduccion y proteinas Cheat Sheet

by ilpatino2003 via cheatography.com/185342/cs/38731/

Molecule's POV - Eucariotas (cont)

aminoacil-ARNt: llevan AA específicos al sitio A del ribosoma como lo vaya pidiendo el ARNm

eEF1A: se encarga de llevar los aminoacil-ARNt al sitio A del ribosoma

eEF2: promueve el desplazamiento del ribosoma a lo largo del ARNm durante la translocación.

Terminacion:

eRF1: se une al codón de terminación en el sitio A del ribosoma y promueve la liberación de la cadena polipeptídica completa

eRF3: actúa como un cofactor para eRF1

y los **ribosomas**

Ribosomas: se une al ARNm al principio y se separa de él al final de la síntesis proteica.

Fosforilacion

- muy comun en cells animales
- reversible (fosforilacion y desfosforilacion)
- mecanismo de **regulacion de la actividad biologica** de una proteina por modificacion covalente
- se pueden agregar uno o mas P

- EJ: síntesis de glucogeno, fosforilacion de glucogeno en hepatocitos en respuesta al glucagon del pancreas; puede inhibir su actividad a medida de que la actividad de las fosforilas aumenta

- la fosforilacion de los grupos fosfato es un interruptor que apaga o prende el proceso de division celular, y si ocurre una mutacion en el material genetico que cambia a un AA por otro en una proteina de la division celular, hace que estas se multipliquen sin control ya que se pierde el sitio de union del P que bloquea su accion

- **proteinas que fosforilan:** cinasas (ATP + proteina <-->fosfoproteina + ADP)

- **proteinas que desfosforilan:** fosfatasas

Fosforilacion (cont)

cells animales: S, T y Y estan sujetas a la fosforilacion que afecta a si gupo -OH

- el nivel de fosforilacion de la Y es menor, pero su fosforilacion es muy importante para la actividad de receptores del factor de crecimiento controlada por su fosforilacion.

Puentes disulfuro (cont)

- ocurre mas en proteinas extracel que intracel
- favorece el plegamiento correcto, protegen a la conformacion nativa de proteina la degradacion

Puentes disulfuro

- ocurre en el RE por la proteina disulfuro-isomerasa por su ambiente oxidante
- proteinas secretoras, lisosomas, y dominios exoplasmaticos de proteinas de mem.
- **excepciones:** proteinas citosolicas de emergencia cuando el potencial reductor de la cell falla, que funcionan como sensores de oxidacion por residuos de C uno contra otro yaccionan mecanismos celulares en respuesta

- proteinas forman enlaces covalentes entre si mediante estos tipos de puentes de enlace entre la C de la misma cadena (intracaterina) o de otra cadena (intercaterina)



By **ilpatino2003**

cheatography.com/ilpatino2003/

Published 23rd May, 2023.

Last updated 23rd May, 2023.

Page 8 of 9.

Sponsored by **Readable.com**

Measure your website readability!

<https://readable.com>